



---

## Curriculum Vitae

<b>Cognome Nome</b>	POLITANO GIANFRANCO MICHELE MARIA
---------------------	-----------------------------------

<p><b>Titolo di Dottore di ricerca o titolo equivalente conseguito in Italia o all'estero</b></p> <p>Per il dottorato conseguito all'estero, il candidato deve presentare la documentazione relativa all'equivalenza o equipollenza del titolo, rilasciata dalle competenti autorità. Al fine di garantire la più ampia partecipazione alla procedura, qualora il candidato non fosse in possesso della relativa documentazione all'atto della presentazione della domanda, <b>tale certificazione dovrà essere necessariamente posseduta dal candidato al momento della stipula del contratto.</b></p>	<p><b>Dottore di Ricerca in INGEGNERIA INFORMATICA E DEI SISTEMI</b>, conseguito presso il Politecnico di Torino</p> <p><b>Argomento del Dottorato:</b> Metodi e algoritmi per l'analisi di dati di regolazione genica</p> <p><b>Titolo della Tesi:</b> Gene Expression Analysis and Classification in Cancer Pathologies</p> <p>Tutore: Prof. Alfredo BENSO</p> <p>Data Conseguitamento: 11 Aprile 2011</p> <p>Dottorato con Assegno di Ricerca</p>
---	--

## Elenco dei titoli



**Attività didattica  
a livello  
universitario in  
Italia o all'estero**

**POLITO**

- A.A. 2018/19 - **Esercitatore** del corso di Algorithm and Advanced Programming, corso di laurea in Ingegneria Informatica (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Quer (40 ore)
- A.A. 2017/18 - **Esercitatore** del corso di Informatica, corso di laurea per tutti i Corsi di Laurea del primo anno (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (40 ore)
- A.A. 2017/18 - **Esercitatore** del corso di Ipermedia e sviluppo web - Corso di Laurea in Design E Comunicazione Visiva (Politecnico di Torino) (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (20 ore)
- A.A. 2016/17 - **Esercitatore** del corso di Informatica, corso di laurea per tutti i Corsi di Laurea del primo anno (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (40 ore)
- A.A. 2016/17 - **Esercitatore** del corso di Ipermedia e sviluppo web - Corso di Laurea in Design E Comunicazione Visiva (Politecnico di Torino) (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (20 ore)
- A.A. 2015/16 - **Esercitatore** del corso di Informatica, corso di laurea per tutti i Corsi di Laurea del primo anno (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (40 ore)
- A.A. 2015/16 - **Esercitatore** del corso di Ipermedia e sviluppo web - Corso di Laurea in Design E Comunicazione Visiva (Politecnico di Torino) (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (20 ore)
- A.A. 2014/15 - **Esercitatore** del corso di Informatica, corso di laurea per tutti i Corsi di Laurea del primo anno (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (40 ore)
- A.A. 2014/15 - **Esercitatore** del corso di Ipermedia e sviluppo web - Corso di Laurea in Design E Comunicazione Visiva (Politecnico di Torino) (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (20 ore)
- A.A. 2013/14 - **Esercitatore** del corso di Informatica, corso di laurea per tutti i Corsi di Laurea del primo anno (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (40 ore)
- A.A. 2013/14 - **Esercitatore** del corso di Informatica, corso di laurea per tutti i Corsi di Laurea del primo anno (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Mezzalama (20 ore)
- A.A. 2012/13 - **Esercitatore** del corso di Informatica, corso di laurea per tutti i Corsi di Laurea del primo anno (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (40 ore)
- A.A. 2012/13 - **Esercitatore** del corso di Informatica, corso di laurea per tutti i Corsi di Laurea del primo anno (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Mezzalama (20 ore)
- A.A. 2011/12- **Esercitatore** del corso di Informatica, corso di laurea per tutti i Corsi di Laurea del primo anno (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (40 ore)
- A.A. 2011/12- **Esercitatore** del corso di Informatica, corso di laurea per tutti i Corsi di Laurea del primo anno (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Montrucchio (20 ore)
- A.A. 2010/11- **Esercitatore** del corso di Informatica, corso di laurea per tutti i Corsi di Laurea del primo anno (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso (40 ore)
- A.A. 2009/10 - **Esercitatore** del corso di Storia dell'informatica, corso di laurea specialistica per la 1<sup>a</sup> Facoltà di Ingegneria (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso. (30 ore)
- A.A. 2008/09 - **Esercitatore** del corso di Storia dell'informatica, corso di laurea specialistica per la 1<sup>a</sup> Facoltà di Ingegneria (Politecnico di Torino). Titolare: prof. Benso. (30 ore)



## **UNITO**

- A.A. 2018/19 - **Titolare** del corso di Informatica per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche (Università degli Studi di Torino) (30 ore)
- A.A. 2018/19 - **Titolare** del corso di Controlli automatici per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino) (42 ore)
- A.A. 2017/18 - **Titolare** del corso di Automatica per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino) (42 ore)
- A.A. 2017/18 - **Esercitatore** del corso di Informatica per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche (Università degli Studi di Torino) (30 ore)
- A.A. 2017/18 - **Esercitatore** del corso di Ricerca 1 - Sistemi di elaborazione delle informazioni, per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche, (Università degli Studi di Torino). Titolare prof. Benso (20 ore)
- A.A. 2017/18 - **Esercitatore** del corso di Ricerca 2 - Sistemi di elaborazione delle informazioni, per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche, (Università degli Studi di Torino). Titolare prof. Benso (30 ore)
- A.A. 2017/18 - **Esercitatore** del corso di Automatica per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof. Politano (28 ore)
- A.A. 2016/17 - **Titolare** del corso di Automatica per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino) (42 ore)
- A.A. 2016/17 - **Esercitatore** del corso di Informatica per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche (Università degli Studi di Torino) (30 ore)
- A.A. 2016/17 - **Esercitatore** del corso di Ricerca 1 - Sistemi di elaborazione delle informazioni, per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche, (Università degli Studi di Torino). Titolare prof. Benso (20 ore)
- A.A. 2016/17 - **Esercitatore** del corso di Ricerca 2 - Sistemi di elaborazione delle informazioni, per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche, (Università degli Studi di Torino). Titolare prof. Benso (30 ore)
- A.A. 2016/17 - **Esercitatore** del corso di Automatica per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof. Politano (28 ore)
- A.A. 2015/16 - **Titolare** del corso di Automatica per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino) (42 ore)
- A.A. 2015/16 - **Esercitatore** del corso di Ricerca 1 - Sistemi di elaborazione delle informazioni, per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche, (Università degli Studi di Torino). Titolare prof. Benso (20 ore)
- A.A. 2015/16 - **Esercitatore** del corso di Ricerca 2 - Sistemi di elaborazione delle informazioni, per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche, (Università degli Studi di Torino). Titolare prof. Benso (30 ore)
- A.A. 2015/16 - **Esercitatore** del corso di Automatica per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof. Politano (28 ore)
- A.A. 2014/15 - **Titolare** del Seminario Sistemi di Elaborazione, per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche, (Università degli Studi di Torino) (20 ore)
- A.A. 2014/15 - **Esercitatore** del corso di Ricerca 2 - Sistemi di elaborazione delle informazioni, per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche, (Università degli Studi di Torino). Titolare prof. Benso (30 ore)



	<ul style="list-style-type: none"><li>• A.A. 2014/15 - <b>Esercitatore</b> del corso di Sistemi per l'Elaborazione dell'Informazione II per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof.ssa Picardi (28 ore)</li><li>• A.A. 2014/15 - <b>Titolare</b> del corso di Automatica per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino) (42 ore)</li><li>• A.A. 2013/14 - <b>Esercitatore</b> del corso di Sistemi per l'Elaborazione dell'Informazione II per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof.ssa Picardi (28 ore)</li><li>• A.A. 2013/14 - <b>Esercitatore</b> del corso di Automatica per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof. Politano (28 ore)</li><li>• A.A. 2012/13 - <b>Titolare</b> del corso di Automatica per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino) (42 ore)</li><li>• A.A. 2012/13 - <b>Esercitatore</b> del corso di Ricerca 2 - Sistemi di elaborazione delle informazioni, per il Corso di laurea magistrale in scienze infermieristiche ed ostetriche, (Università degli Studi di Torino). Titolare prof. Benso (30 ore)</li><li>• A.A. 2012/13 - <b>Esercitatore</b> del corso di Sistemi per l'Elaborazione dell'Informazione II per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof.ssa Picardi (28 ore)</li><li>• A.A. 2012/13 - <b>Esercitatore</b> del corso di Automatica per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof. Politano (28 ore)</li><li>• A.A. 2011/12 - <b>Esercitatore</b> del corso di Sistemi per l'Elaborazione dell'Informazione II per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof.ssa Picardi (28 ore)</li><li>• A.A. 2011/12 - <b>Esercitatore</b> del corso di Telecomunicazioni A per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof. Savino (21 ore)</li><li>• A.A. 2010/11 - <b>Esercitatore</b> del corso di Sistemi per l'Elaborazione dell'Informazione II per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof. Miraglia (28 ore)</li><li>• A.A. 2010/11 - <b>Esercitatore</b> del corso di Telecomunicazioni A per il Corso di Laurea Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università degli Studi di Torino). Titolare: prof. Savino (21 ore)</li></ul>
	<p><b>POLITO@TPPU</b> (Turin Tashkent Polytechnic University, Uzbekistan)</p> <ul style="list-style-type: none"><li>• A.A. 2013/14 - <b>CoTitolarietà</b> del corso di Operating Systems col Prof.Serra presso l'università di Tashkent (UZ) (60 ore)</li><li>• A.A. 2013/14 - <b>CoTitolarietà</b> del corso di Computer Architecture col Prof.Serra presso l'università di Tashkent (UZ) (20 ore)</li><li>• A.A. 2012/13 - <b>Titolare</b> del corso di Operating Systems presso l'università di Tashkent (UZ) (80 ore)</li></ul>



**Documentata attività di formazione o di ricerca presso qualificati istituti italiani o stranieri comprensiva di:**

Attività di formazione o di ricerca presso qualificati istituti italiani o stranieri

2017 - Scuola di Dottorato "Lipari International Summer School on BioInformatics and Computational Biology" (Computational Drug Science and High-Precision Medicine)

2016 - Scuola di Dottorato "Lipari International Summer School on BioInformatics and Computational Biology" (Computational Microbiology and Microbiome-Based Medicine)

2015 - Scuola di Dottorato "Lipari International Summer School on BioInformatics and Computational Biology" (Computational Dynamic Analysis of Biological Processes)

2013 - Scuola di Dottorato "Lipari International Summer School on BioInformatics and Computational Biology" (Biological Networks)

2011 - Scuola di Dottorato "Lipari International Summer School on BioInformatics and Computational Biology" (Deep Sequencing)

2010 - Scuola di Dottorato "Lipari International Summer School on BioInformatics and Computational Biology" (Statistics In Bioinformatics)

2009 - Scuola di Dottorato "Lipari International Summer School on BioInformatics and Computational Biology" (RNAs : structure, function and therapy)

2009 - Corso di Alta Formazione "Management of Innovation" organizzato dall' Unione Industriale torinese

2009 - "Scuola di Dottorato in Sistemi Complessi" organizzata dall'Università degli Studi presso l'Istituto per la Ricerca e la Cura del Cancro di Candiolo (IRCC)

2008 - Corso di Inglese "Academic English" presso la "University of California, San Diego" (La Jolla, CA, US)

2008 - "Scuola di Dottorato in Sistemi Complessi" organizzata dall'Università degli Studi presso l'Istituto per la Ricerca e la Cura del Cancro di Candiolo (IRCC)

2008 - "Corsi di azzeramento in Biologia" (Biologia Molecolare, Biologia Cellulare e Biochimica) organizzata dall'Università degli Studi presso il dipartimento di Scienze biologiche



<p>Assegni di ricerca ai sensi dell'art. 51 comma 6, della Legge 27/12/1997, n. 449, e successive modificazioni</p>	<p>(15/05/2007 - 14/11/2007) Assegno di ricerca dal titolo "Soluzioni software per sistemi digitali affidabili in applicazioni spaziali" presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p> <p>(15/11/2007 - 14/02/2008) Assegno di ricerca dal titolo "Soluzioni software per sistemi digitali affidabili in applicazioni spaziali" presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p> <p>(01/04/2008 - 31/03/2009) Assegno di ricerca dal titolo "RE-TRUST: Remote En Trusting by Run-time Software authentication" presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p> <p>(01/04/2009 - 31/03/2010) Assegno di ricerca dal titolo "ATLAS: Automatic Translation into sign Language" presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p> <p>(01/04/2010 - 30/09/2010) Assegno di ricerca dal titolo "ATLAS: Automatic Translation into sign Language" presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p> <p>(01/11/2010 - 31/10/2011) Assegno di ricerca dal titolo "ATLAS: Automatic Translation into sign Language" presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p>
<p>Assegni di ricerca ai sensi della legge 240/2010</p>	<p>(16/12/2011 - 15/12/2012) Assegno di ricerca dal titolo "Energy Efficient Electronic Design Automation - E3DA" presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p> <p>(01/04/2013 - 31/03/2014) Assegno di ricerca dal titolo "Systems Biology CLOUDLAB per applicazioni di Drug Target Discovery" presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p> <p>(01/04/2014 - 31/03/2015) Assegno di ricerca dal titolo "Test and reliability of next generation computing systems" presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p> <p>(01/04/2015 - 31/03/2016) Assegno di ricerca dal titolo "Test and reliability of next generation computing systems" presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p> <p>(15/04/2016 - 14/04/2017) Assegno di ricerca dal titolo "Test and reliability of next generation computing systems" presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p>
<p>Contratti - Ricercatore a tempo determinato - ai sensi dell'art. 24 comma 3 lettera a) Legge 240/2010</p>	<p>(12/06/2017 - 11/06/2020) Ricercatore a tempo determinato ai sensi dell'art. 24 comma 3 lettera a) Legge 240/2010, presso il Dipartimento di Automatica e Informatica del Politecnico di Torino</p>



**Realizzazione di  
attività progettuale**

(2007 – 2008) Progettazione e sviluppo di un modello statistico di caratterizzazione dell'hardware per analisi di affidabilità, nell'ambito del progetto "Soluzioni software per sistemi digitali affidabili in applicazioni spaziali" (PIEM Regione Piemonte)

(2008 - 2009) Progettazione e sviluppo di metodologie per remote entrusting del software, nell'ambito del progetto "RE-TRUST: Remote EnTrusting by RUn-time Software authentication" (EU FP6 ICT Programme)

(2009 - 2011) Progettazione e sviluppo modelli di machine learning per riconoscimento dei segni, nell'ambito del progetto "ATLAS: Automatic Translation Into Sign Language" (Regione Piemonte, bando Converging Technologies)

(2013 – 2016) Membro della sotto unità POLITO2 attiva nei seguenti WP: WP2, WP4, WP5, WP7. Progettazione e sviluppo di modelli per l'analisi predittiva della dinamica dei sistemi biologici attraverso l'analisi di reti di regolazione genetica e approcci di "machine learning" per l'analisi dei dati genetici e proteomici, nell'ambito del progetto "MIND: Ingegnerizzazione di Modelli d'organo di interesse fisiologico e patologico per l'indagine di Disturbi legati all'invecchiamento" (PRIN)

(2013 - 2015) Sviluppo di software automatici per aggregazione ed analisi di network di regolazione genica, nell'ambito del progetto "Open Source Drug Discovery (OSDD)" (Bando per la creazione e lo sviluppo di Unità di ricerca, Regione Valle D'Aosta)

(da 2014) Membro del team WP5 nell'ambito del Progetto Clereco (FP7) per lo sviluppo di sistemi di System Level Reliability Estimation

(da 2015) Design e sviluppo di algoritmi di classificazione, nell'ambito del progetto "Applicazione di tecnologie avanzate per ricerca e sviluppo nell'ambito della lotta alle frodi alimentari" (Ministero della Salute, Ricerca corrente 2014)

(da 2016) Responsabile dei task 5.2 e 5.6 del sotto-progetto "Innovation in Agrifood VDA", nell'ambito del progetto "HEART VDA - Health and agrifood tech VDA" (Regione Valle d'Aosta)

(da 2016) Responsabile dei task 5.4 e 5.6 del sotto-progetto "Dairy products and by-products", nell'ambito del progetto "HEART VDA - Health and agrifood tech VDA" (Regione Valle d'Aosta)

**Organizzazione, direzione, coordinamento e partecipazione a gruppi di ricerca**



<p>Attività di organizzazione, direzione e coordinamento di gruppi di ricerca nazionali ed internazionali</p>	<p>Gestione attività di ricerca nelle aree Systems Biology e Bio-Statistics nel gruppo di ricerca SysBio del Politecnico di Torino, gestito dal Prof. Alfredo Benso (Dipartimento di Automatica e Informatica)</p> <p>Da 2016 - Progetto "HEART VDA (Health and agrifood tech VDA)" finanziato dalla Regione Valle d'Aosta: responsabile dei task 5.2 e 5.6 del sotto-progetto "Innovation in Agrifood VDA"</p> <p>Da 2016 - Progetto "HEART VDA (Health and agrifood tech VDA)" finanziato dalla Regione Valle d'Aosta: responsabile dei task 5.4 e 5.6 del sotto-progetto "Dairy products and by-products"</p>
<p>Partecipazione a progetti di ricerca nazionali ed internazionali</p>	<p>(Mag.2007 – Feb.2008): Partecipazione al progetto "Soluzioni software per sistemi digitali affidabili in applicazioni spaziali, PIEM Regione Piemonte" – Sviluppo di un modello di caratterizzazione dell'hardware per analisi di affidabilità</p> <p>(Apr.2008 - Mar.2009): Partecipazione al progetto "RE-TRUST: Remote EnTrusting by RUn-time Software authentication", (<a href="http://re-trust.dit.unitn.it">http://re-trust.dit.unitn.it</a>), EU FP6 ICT Programme – Sviluppo di metodologie per il test dell'hardware</p> <p>(Apr.2009 - Ott.2011): Partecipazione al progetto "ATLAS: Automatic Translation Into Sign Language", Regione Piemonte bando Converging Technologies 2007, (<a href="http://www.atlas.polito.it">http://www.atlas.polito.it</a>) - Modelli di correlazione per riconoscimento dei segni</p> <p>(Dic.2011 - Dic.2012): Partecipazione al progetto "Energy Efficient Electronic Design Automation - E3DA", - Progetto END (Models, Solutions, Methods and Tools for ENergy-Aware Design) FP7-JTI-ENIAC, (<a href="http://www.eniac-end.org/">http://www.eniac-end.org/</a>) - Sviluppo di metodologie per lo sviluppo di dispositivi energy- aware</p> <p>(Apr.2013 – Apr.2016): Partecipazione al progetto "MIND: Ingegnerizzazione di Modelli d'organo di interesse fisiologico e patologico per l'indagine di Disturbi legati all'invecchiamento", Programmi Di Ricerca Scientifica Di Rilevante Interesse Nazionale Richiesta Di Cofinanziamento (D.M. 1152/ric del 27/12/2011), (<a href="http://www.mind.polito.it">http://www.mind.polito.it</a>) - Attività di ricerca per lo sviluppo di modelli per l'analisi di network e dati di system biology</p> <p>(Da Apr.2013): Partecipazione al progetto "Open Source Drug Discovery (OSDD)", Bando per la creazione e lo sviluppo di Unità di ricerca, Regione Valle D'Aosta - Attività di ricerca per lo sviluppo di modelli per l'analisi di network e dati di system biology</p> <p>(Da Gen.2014): Partecipazione al progetto europeo "CLERECO: Cross Layer Early Reliability Evaluation for the Computing cOntinuum", (<a href="http://www.clereco.eu">http://www.clereco.eu</a>), EU FP7 ICT Programme</p> <p>(Da Sett.2015) Partecipazione al progetto finanziato da Ministero della Salute "Applicazione di tecnologie avanzate per ricerca e sviluppo nell'ambito della lotta alle frodi alimentari" (Rcerca corrente 2014) – Cod.Ministeriale: IZSPLV01/14RC</p> <p>(Da Giu.2016) Partecipazione al Progetto "HEART VDA (Health and agrifood tech VDA)" finanziato dalla Regione Valle d'Aosta</p>



Partecipazione a gruppi di ricerca nazionali ed internazionali	<ul style="list-style-type: none"><li>• Dal 2007, afferente al gruppo TestGroup, prof. Paolo Prinetto</li><li>• Dal 2013, afferente al gruppo SysBio Group, prof. Alfredo Benso</li><li>• Dal 2017, collaborazione con Università degli Studi di Torino e Gruppo di lavoro regionale "Infezioni correlate all'assistenza" (Direzione SANITA') per l'analisi dei dati del report regionale "Sorveglianza Delle Infezioni del Sito Chirurgico in Piemonte", prof. Carla Zotti</li></ul>
--	---

<b>Titolarità di brevetti e/o progetti o "paternità dell'invenzione"</b>	Prot. N.9960/VI.5.1 del 5/6/2018, ufficio Brevetti-Spinoff del Politecnico di Torino. <b>IN CORSO</b> procedura di deposizione del brevetto già accettato dalla Commissione Brevetti, in data 18/5/2018, dal titolo "METODO PER GENERARE E OTTIMIZZARE PROTOCOLLI DI COLTURA CELLULARE PER SISTEMI AUTOMATICI"
--	--

<b>Relazioni a congressi e convegni</b>	
Relatore "invitato" a congresso e convegno internazionale	n/a
Relatore "invitato" a congresso e convegno nazionale	<p>2015 - Relatore invitato al meeting del Laboratorio Infolife del CINI, Pisa</p> <p>2015 - Relatore invitato al workshop di divulgazione dei risultati del progetto PRIN MIND: Ingegnerizzazione di Modelli d'organo di interesse fisiologico e patologico per l'indagine di Disturbi legati all'invecchiamento. CNR, Pisa</p> <p>2014 - Relatore invitato al meeting del Laboratorio InfoLife del CINI, Mondello, PA</p> <p>2009 - Relatore alla tavola rotonda del Convegno "Sviluppo, Energia, Ambiente". Promosso da: Gruppo Giovani Imprenditori e Confindustria Canavese</p>



<p>Relatore a congresso e convegno internazionale e nazionale</p>	<p>2016 - Relatore: IEEE International Conference on Bioinformatics and Biomedicine (BIBM) 2017, (Shenzhen, China)</p> <p>2012 - Relatore: IEEE International Conference on Bioinformatics and Biomedicine (BIBM) 2012, (Philadelphia, USA)</p> <p>2012 - Relatore: International Conference on Bioinformatics and Computational Biology BIOCOMP BG 2012, (Varna, BG)</p> <p>2012 - Relatore: international conference "AQTR12 - IEEE International Conference on Automation, Quality and Testing, Robotics", (Cluj-Napoca, RO)</p> <p>2011 - Relatore: international conference "InCoB2011 - Asian-Pacific Bioinformatics Network", (Kuala Lumpur, MY) Novembre</p> <p>2008 - Relatore: international conference "IEEE CIBCB'08 - Bioinformatics and Bioengineering", Sun Valley (ID, US) Settembre</p>
---	--

<p><b>Premi e riconoscimenti nazionali e internazionali per attività di ricerca</b></p>	<p><b>Best Paper Award</b> International Conference on Bioinformatics Models, Methods and Algorithms. BIOINFORMATICS-2014. (A Computational Study to Identify TP53 and SREBF2 as Regulation Mediators of miR-214 in Melanoma Progression) 2014</p> <p><b>Best Paper Award</b> IEEE International Conference on Automation, Quality and Testing, Robotics (Using Gnome Wide Data For Protein Function Prediction By Exploiting Gene Ontology Relationships) 2012</p> <p><b>Best Paper Award</b> IEEE International Conference on Automation, Quality and Testing, Robotics (GPU Acceleration for Statistical Gene Classification) 2010</p>
---	---

<p><b>Altri titoli</b></p>	
<p>Eventuale attività didattica a livello universitario in Italia o all'estero</p>	<p>2019 <b>Titolare del Corso di Dottorato</b> dal titolo "Biological Network Analysis for precision medicine" presso Università del Salento</p> <p>Tutta l'attività didattica di I e II livello è stata riportata nella precedente sezione "Attività didattica a livello universitario in Italia o all'estero"</p>
<p>Documentata attività in campo clinico relativamente ai Settori concorsuali nei quali sono richieste tali specifiche competenze</p>	<p>n/a</p>



Diploma di specializzazione europea riconosciuto da Board internazionali, relativamente a quei settori concorsuali nei quali ne è prevista

n/a

**Altri titoli non riconducibili alle precedenti classi di titoli comprensivi di:**



Documentat  
a  
esperienza  
maturata  
nel campo  
della ricerca  
e/o della  
didattica,  
comprovant  
e il  
possesso di  
solide  
competenze  
di base nel  
Settore  
Concorsuale  
e nel  
Settore  
Scientifico-  
Disciplinare  
indicato nel  
bando

#### **ABILITAZIONI PROFESSIONALI**

- 2007 - Abilitazione alla professione di Ingegnere

#### **CARICHE PUBBLICHE**

2013-2016 - Membro in seno al Comitato Scientifico del Museo Regionale di Scienze Naturali di Torino

#### **RICONOSCIMENTI ACCADEMICI**

Cultore della materia per SSD

- ING-INF/05, ING-INF/04, ING-INF/03

#### **ATTIVITÀ DI SUPERVISIONE STUDENTI**

- Relatore o Correlatore di 30+ Tesi Magistrali presso la Scuola Interfacoltà in Scienze Strategiche (Università di Torino)
- Correlatore di nr. 3 Tesi Magistrale presso Politecnico di Torino

#### **ATTIVITÀ EDITORIALI**

##### EDITORIAL BOARD

- dal 2014 - Membro della Editorial Board del Journal of Computer Science
- 2014-2016 - Membro della Editorial Board del Journal of Bioinformatics Research Studies
- dal 2018 - Membro della Editorial Board di IEEE/CS ITProfessional (ITPRO)

##### REVISORE PER RIVISTE

- 2019 - Revisore per la rivista "PLOS ONE"
- 2018 - Revisore per la rivista "BMC Bioinformatics"
- 2017 - Revisore per la rivista "Transaction on Computers"
- 2017 - Revisore per la rivista "Oxford Bioinformatics"
- 2017 - Revisore per la rivista "PLOS ONE"
- 2017 - Revisore per la rivista "BMC Bioinformatics"
- 2016 - Revisore per la rivista "BMC Cardiovascular Disorders"
- 2016 - Revisore per la rivista "BMC Bioinformatics"
- 2015 - Revisore per la rivista "BMC Bioinformatics"
- 2014 - Revisore per la rivista "IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics"

##### REVISORE PER CONFERENZE

- 2019 - Revisore per la conferenza BIOINFORMATICS 2020
- 2018 - Revisore per la conferenza BIOINFORMATICS 2019
- 2017 - Membro del Program Committee della conferenza "New Trends in Information Technology" (NTIT)
- 2017 - Revisore per la conferenza BIOINFORMATICS 2018
- 2017 - Revisore per la conferenza IREHI
- 2016 - Revisore per la conferenza BIOINFORMATICS 2017
- 2015 - Revisore per la conferenza IWBBIO2015
- 2011 - Revisore per la conferenza internazionale "IEEE Congress on Evolutionary Computation" (CEC 2011). New Orleans, (USA), 5-8 di Giugno 2011

#### **DIDATTICA NON UNIVERSITARIA**

- 2007 - Docente del corso rivolto a professori "Informatica di base" per docenti – S.M.S. "C.Alvaro-A.Modigliani", Torino
- 2007 - Docente del corso pratico rivolto a professori "Uso di EDT: tool per programmazione orari scolastici" – S.M.S. "C.Alvaro - A.Modigliani", Torino
- 2007 - Docente del corso "Programmazione web e database" presso ELEA s.p.a Padova - Infologos S.r.l
- 2006 - Docente del corso "SQL Administrator" presso ELEA s.p.a Torino - Infologos S.r.l



**CONTRIBUTI NELLA COMUNITÀ SCIENTIFICA INTERNAZIONALE**

**IEEE BOARDS**

- dal 2018 - Webmaster per IEEE/CS ITProfessional
- dal 2018 - Webchair per l'IEEE/CS European Test Technology Technical Council (IEEE-eTTTC)
- dal 2015 - Members Outreach Chair di IEEE/CS Technical Committee on Computational Life Sciences (TCCLS)
- 2015-2017 - Membro del Operations Committee di IEEE/CS Digital Library Operations Committee (DLOC)
- dal 2014 - Webchair per IEEE/CS Test Technology Technical Council (IEEE-TTTC)

**MEMBRO DI PROGRAM COMMITTEE E ORGANIZING COMMITTEE**

- 2019 - Program Chair dell'International Rural and Elderly Health Informatics Conference (IREHI)
- 2018 - Membro del Program Committee del Simposio "Smart & Connected Health" @ COMPSAC2018 - Program Chair del Workshop on Challenges and Opportunities in Large-Scale Network Analysis in Systems Biology (co-hosted by BIBM)
- 2018 - Membro del Program Committee di BIOINFORMATICS / BIOSTEC 2019
- 2018 - Membro del Comitato Organizzatore dell'International Rural and Elderly Health Informatics Conference (IREHI)
- 2017 - Membro del Program Committee della conferenza "New Trends in Information Technology" (NTIT)
- 2017 - Membro del Program Committee di BIOINFORMATICS / BIOSTEC 2018
- 2016 - Membro del Program Committee di BIOINFORMATICS / BIOSTEC 2017
- 2016 - Session Chair nella Session 16 per IEEE International Conference on Bioinformatics and Biomedicine (BIBM)
- 2014 - Membro del comitato organizzatore dell' IEEE International Workshop in Energy Systems Reliability and Resiliency (ESR2 2014)
- 2014 - Membro del Program Committee della conferenza internazionale "Pattern Recognition in Bioinformatics" (PRIB 2014)
- 2013 - Membro del Technical Committee IAPR TC-20 (Technical Committee on Pattern Recognition for Bioinformatics)
- 2012 - Membro del Program Committee della conferenza internazionale "Pattern Recognition in Bioinformatics" and "Computational Intelligence Methods for Bioinformatics and Biostatistics" (PRIB 2013 and CIBB 2013)
- 2009 - Membro del Program Committee alla conferenza internazionale "IEEE Congress on Evolutionary Computation" (CEC 2009). Trondheim, (Norway)

**MENZIONI**

2014 Lettera di menzione da parte del Presidente del Corso di Laurea Magistrale In Scienze Infermieristiche e ostetriche (allegata come titolo)

**PREPARAZIONE DI PROPOSTE PROGETTUALI**

- 2018 - Sottomissione del progetto PRIN 2018 - Hospitalome in qualità di Responsabile di unità di ricerca "giovane" (Bocciato)
- 2018 - Sottomissione del progetto IMI2. Action: IMI2-RIA Research and Innovation; Call: H2020-JTI-IMI2-2018-14-two-stage in qualità di Responsabile dell'unità CINI responsabile del Task 2.5. High-level multi-omics integration and models ensemble for knowledge extraction (Bocciato - Primo progetto non selezionato nella lista di rimpiazzo.)
- 2015 - Sottomissione in qualità di PI di una proposta progettuale nell'ambito del bando ERC 2015 - progetto presentato CelMos (Bocciato)

**COLLABORAZIONI CON AZIENDE:** Biodigital Valley (Aosta) (dal 2015), Yogitech (dal 2006), RAI Italia (2009-2012), Thales Francia (dal 2014), ABB AS Norvegia (2014-2015), ABB AB Svezia (dal 2015), BEPS Engineering (2010-2012), Lumiq Studios s.r.l. (2010-2012), CSP - Innovazione Nelle ICT (2009-2012)



Rapporti e delle relazioni di ricerca documentati e stabiliti con Università straniere	<p>2012 - Periodo di <b>ricerca presso</b> L. A. Orbeli Institute of Physiology NAS RA, Yerevan (Armenia), nell'ambito di una collaborazione sull'utilizzo di dispositivi per la valutazione dello stress di organismi biologici.</p> <p>2015 - <b>Collaborazione</b> con National Center For Tumor Diseases - German Cancer Research Center (Department of Translational Oncology), nell'ambito di uno studio congiunto su Synthetic biology e Virus Transfection</p>
Lettere di Referenze (Allegate come Titoli)	<ul style="list-style-type: none"><li>• Lettera di referenze - <b>Prof. Gianluca Ciardelli</b> (Dipartimento di Ingegneria Meccanica e Aerospaziale - Politecnico di Torino)</li><li>• Lettera di referenze - <b>Dr. Hafeez Ur Rehman</b> (FAST - National University Hayatabad, Peshawar, Pakistan)</li><li>• Lettera di referenze - <b>Prof. Giuseppe Macino</b> (Dipartimento di Biotecnologie Cellulari ed Ematologia Sez. Genetica Molecolare - Università degli Studi di Roma "La Sapienza")</li><li>• Lettera di referenze - <b>Dr. Monica Mattioli Belmonte Cima</b> (Dipartimento di Scienze Cliniche e Molecolari - Università Politecnica delle Marche)</li><li>• Lettera di referenze - <b>Prof. Enrico Nardelli</b> (Dipartimento di Matematica - Università Degli Studi di Roma "Tor Vergata")</li><li>• Lettera di referenze - <b>Prof. Carla Maria Zotti</b> (Corso di Laurea in Infermieristica - Università degli Studi di Torino)</li><li>• Lettera di referenze - <b>Dr. Prashanth Suravajhala</b> (Founder of Bioclues Organization)</li><li>• Lettera di referenze - <b>Prof. Giulio Pavesi</b> (Department of Biosciences - University of Milano)</li><li>• Lettera di referenze - <b>Prof. Daniela Taverna</b> (Dipartimento di Biotecnologie Molecolari e Scienza per la Salute - Università degli Studi di Torino)</li></ul>

<b>Conoscenza lingue straniere</b>	Inglese: <ul style="list-style-type: none"><li>• Certificato IELTS</li><li>• Certificato Corso di Lingua inglese "Academic English" presso UCSD (San Diego, CA, USA)</li></ul>
------------------------------------	--

<b>Madrelingua</b>	Italiano
--------------------	----------



## Produzione scientifica complessiva

Titolo	Autore/i	Editore	Luogo e data di pubblicazione/in corso di pubblicazione
<b>JOURNAL AND TRANSACTIONS</b>			
Surgical Site Infections in Italy, 2009–2015: Incidence, Trends, and Impact of Surveillance Duration on Infection Risk	C Vicentini, P Dalmaso, G Politano, MF Furmenti, F Quattrococo, CM Zotti	Mary Ann Liebert, Inc	Surgical infections 20, (2019), DOI:10.1089/sur.2018.298 Indici: IF:1,689, SJR:0,714 (2018)
The Evaluation of Organizational Well-Being in An Italian Teaching Hospital Using the ANAC Questionnaire	CG Cortese, F Emanuel, L Colombo, M Bonaudo, G Politano, F Ripa, ...	MDPI	International journal of environmental research and public health 16 (6), 1056, (2019), DOI:10.3390/ijerph16061056 Indici: IF: 2.145, SJR:0,818 (2018)
Cost of Sickness Absenteeism during Seasonal Influenza Outbreaks of Medium Intensity among Health Care Workers	MM Gianino, G Politano, A Scarmozzino, M Stillo, V Amprino, S Di Carlo, ...	MDPI	International journal of environmental research and public health 16 (5), 747. (2019), DOI:10.3390/ijerph16050747 Indici: IF: 2.145, SJR:0,818 (2018)
Medication discrepancies across multiple care transitions: A retrospective longitudinal cohort study in Italy	M Bonaudo, M Martorana, V Dimonte, A D'Alfonso, G Fornero, G Politano, ...	Public Library of Science	PloS one 13 (1), e0191028, DOI:10.1371/journal.pone.0191028 Indici: IF: 2.766, SJR:1,1 (2018)
Beyond Homology Transfer: Deep Learning for Automated Annotation of Proteins	Nauman, Mohammad; Ur Rehman, Hafeez; Politano, Gianfranco; Benso, Alfredo	Springer Netherlands	JOURNAL OF GRID COMPUTING (2018) DOI:10.1007/s10723-018-9450-6 Indici: IF:1.556, SJR:0,688 (2018)
Modeling antibiotic resistance in the microbiota using multi-level Petri Nets	R Bardini, S Di Carlo, G Politano, A Benso	BMC	BMC Systems Biology 12 (Suppl 6) :108 DOI: 10.1186/s12918-018-0627-1 Indici: IF:2,05 , SJR:0,972 (2018)
Computing of Low Shear Stress-Driven Endothelial Gene Network Involved in Early Stages of Atherosclerotic Process	F Vozzi, J Campolo, L Cozzi, G Politano, S Di Carlo, M Rial, C Domenici, ...	BioMed research international	BioMed research international, Volume 2018, Article ID 5359830, 12 pages , DOI: 10.1155/2018/5359830, (2018) Indici: IF:2.583, SJR:0.795 (2018)



Medication discrepancies across multiple care transitions: A retrospective longitudinal cohort study in Italy	Bonaudo, M; Martorana, M; Dimonte, V; D'Alfonso, A; Fornero, G; Politano, G; Gianino, M.M.	Public Library of Science	PLOS ONE (2018), ISSN 1932-6203. - 13:1(2018), p. e0191028, DOI:10.1371/ journal.pone.0191028 Indici: IF:2,806, SJR:1,201 (2017)
DNA Pool Analysis-based Forgery-Detection of Dairy Products	Rossi, F.; Modesto, P.; Biolatti, C.; Benso, A.; Di Carlo, S.; Politano, G.; Acutis, P. L.	Institute of Advanced Engineering and Science (IAES)	INTERNATIONAL JOURNAL OF ELECTRICAL AND COMPUTER ENGINEERING, (2018), ISSN: 2088-8708, DOI:10.11591/ ijece.v8i6.pp%25p Indici: IF: 0,43, SJR:0,3 (2017)
Multi-level and hybrid modelling approaches for systems biology.	Bardini, R.; Politano, G.; Benso, A.; Di Carlo, S.	Elsevier	COMPUTATIONAL AND STRUCTURAL BIOTECHNOLOGY JOURNAL, (2017), vol. 15, pp. 396-402. - ISSN 2001-0370, DOI: 10.1016/j.csbj.2017.07.005 Indici: IF:3,16, SJR:1,284
In-silico cardiac aging regulatory model including microRNA post-transcriptional regulation.	<b>Politano, G</b> ; Logrand, F; Brancaccio, M; Di Carlo, S	Elsevier	METHODS, (2017), vol. 124, pp. 57-68. - ISSN 1046-2023, DOI:10.1016/ j.ymeth.2017.06.002 Indici: IF: 3,503, SJR:2,149
Estimation of sickness absenteeism among Italian healthcare workers during seasonal influenza epidemics.	Gianino, MM; Politano, G; Scarmozzino, A; Charrier, L; Testa, M; Giacomelli, S; Benso, A; Zotti, CM	Public Library of Science	PLOS ONE, (2017), vol. 12 n. 8, pp. 1-12. - ISSN 1932-6203, DOI:10.1371/ journal.pone.0182510 Indici: IF:2,806, SJR:1,201
The Role of a Panel of Pro-Fibrogenic miRs in Fibrotic Lung Disorders	Meloni, F; Inghilleri, S; Di Carlo, S; Cova, E; Calabrese, F; Piloni, D; Zorzetto, M; Divizia, L; Politano, G; Benso, A; Vanaudenaerde, B; Kessler, R; Porzio, M; Morbini, P; Rossi, E	American Thoracic Society	AMERICAN JOURNAL OF RESPIRATORY AND CRITICAL CARE MEDICINE, (2017), vol. 195 n. A6415, p. 1. - ISSN 1535-4970, DOI: 10.1164/ajrccm- conference.2017.195.1_MeetingAbstracts.A 6415 Indici: IF: 13,204, SJR: 6,009
Identification of miRNAs Potentially Involved in Bronchiolitis Obliterans Syndrome: A Computational Study.	Di Carlo, S; Rossi, E; Politano, G; Inghilleri, S; Morbini, P; Calabrese, F; Benso, A; Savino, A; Cova, E; Zampieri, D; Meloni, F	Public Library of Science	PLOS ONE, (2016), vol. 11 n. 8-e016, pp. 1-22. - ISSN 1932-6203, DOI:10.1371/ journal.pone.0161771 Indici: IF: 2,806, SJR:1,201



<p>An expanded evaluation of protein function prediction methods shows an improvement in accuracy.</p>	<p>Jiang, Y; Oron, T R; Clark, W T.; Bankapur, A R.; D'Andrea, D; Lepore, R; Funk, C S.; Kahanda, I; Verspoor, K M.; Ben-Hur, A; Koo, Da Chen E; Penfold-Brown, D; Shasha, D; Youngs, N; Bonneau, R; Benso, A; Di Carlo, S; Politano, G; Savino, A; Rehman, H Ur; Re, M; Mesiti, M; ET</p>	<p>BioMed Central</p>	<p>GENOME BIOLOGY, (2016), vol. 17 n. 1, pp. 1-19. - ISSN 1474-760X, DOI:10.1186/s13059-016-1037-6 Indici: IF: 11,908, SJR:10,484</p>
<p>Identification of pathogenic micro RNA (miR) in BOS: A system biology approach.</p>	<p>Inghilleri, S; Rossi, E; Di Carlo, S; Morbini, P; Politano, G; Zorzetto, M; Benso, A; Cova, E; Meloni, F</p>	<p>European Respiratory Society</p>	<p>EUROPEAN RESPIRATORY JOURNAL, (2016) vol. 48 n. suppl , PP141-. - ISSN 0903-1936, DOI:10.1183/13993003.congress-2016.PP141 Indici: IF:10,569, SJR:3,413</p>
<p>Common integration sites of published datasets identified using a graph-based framework.</p>	<p>Vasciaveo, A; Velevska, I; Politano, G; Savino, A; Schmidt, M; Fronza, R</p>	<p>Elsevier</p>	<p>COMPUTATIONAL AND STRUCTURAL BIOTECHNOLOGY JOURNAL, (2016) vol. 14, pp. 87-90. - ISSN 2001-0370, DOI:10.1016/j.csbj.2015.11.004 Indici: 3,16, SJR:1,284</p>
<p>CyTRANSFINDER: A Cytoscape 3.3 plugin for three-component (TF, gene, miRNA) signal transduction pathway construction.</p>	<p><b>Politano, G.;</b> Orso, F; Raimo, M; Benso, A; Savino, A; Taverna, D; Di Carlo, S</p>	<p>BMC</p>	<p>BMC BIOINFORMATICS, (2016) vol. 17 n. Articl, pp. 1-17. - ISSN 1471-2105, DOI:10.1186/s12859-016-0964-2 Indici: IF: 2,448, SJR:1,467</p>



<p>Breathomics can discriminate between anti IgE-treated and non-treated severe asthma adults.</p>	<p>Santini, G.; Di Carlo, S.; Benso, A.; Mores, N.; Brinkmann, P.; Valente, S.; Montuschi, P.; Macagno, F.; Politano, G.; Wagener, A. H.; Bansal, A. T.; Knobel, H. H.; Vink, A. J.; Rattray, N.; Santonico, M.; Pennazza, G.; Wang, Y.; Horvath, I.; Djukanovic, R.; Polosa, R.; Fowler, S. J.; Chanez, P.; Chung, K. F.; Sterk, P. J.; Montuschi, P.</p>	<p>European Respiratory Society</p>	<p>EUROPEAN RESPIRATORY JOURNAL, (2015) vol. 46 n. Suppl., p. 1. - ISSN 1399-3003, DOI:n/a Indici: IF:10,569, SJR:3,413</p>
<p>System biology (SB) allows the identification of pathogenic micro RNA (miR) in BOS.</p>	<p>Inghilleri, Simona; Di Carlo, Stefano; Morbini, Patrizia; Calabrese, Fiorella; Politano, Gianfranco; Zampieri, Davide; Benso, Alfredo; Agozzino, Manuela; Cova, Emanuela; Meloni, Federica; Rossi, Elena</p>	<p>European Respiratory Society</p>	<p>EUROPEAN RESPIRATORY JOURNAL, (2015)vol. 46 n. Suppl., p. 1. - ISSN 1399-3003, DOI: n/a Indici: IF:10,569, SJR:3,413</p>
<p>ReNE: A Cytoscape Plugin for Regulatory Network Enhancement</p>	<p><b>Politano G.</b>, Benso A., Savino A., Di Carlo S.</p>	<p>Public Library of Science</p>	<p>PLOS ONE, vol. 9 n. 12, e115585-. - ISSN 1932-6203 - DOI: 10.1371/journal.pone.0115585 Indici: IF:2,806, SJR:1,201</p>
<p>Cross-layer reliability evaluation, moving from the hardware architecture to the system level: A CLERECO EU project overview</p>	<p>A. Vallero, S. Tselonis, N. Foutris, M. Kaliorakis, M. Kooli, A. Savino, G. Politano, A. Bosio, G. Di Natale, D. Gizopoulos, S. Di Carlo</p>	<p>Elsevier</p>	<p>Microprocessors and Microsystems, ISSN 0141-9331, DOI:10.1016/j.micpro.2015.06.003. - Indici: IF:1,025, SJR:0,238</p>



Alice in "Bio-land": engineering challenges in the world of Life-Sciences.	Benso A., Bucci E., Di Carlo S., Politano G., Savino A	IEEE Computer Society	IT Professional, (2014) vol. 16 n. 4, pp. 38-47 - ISSN: 1520-9202, - DOI:10.1109/ MITP.2014.45 Indici: IF:0,819, SJR:0,329
An Extended Gene Protein/ Products Boolean Network Model Including Post- Transcriptional Regulation	Benso A., Di Carlo S., Politano G., Savino A., Vasciaveo A	Springer	Theoretical Biology and Medical Modelling, vol. 11(Suppl 1) n. S5, 2014, pp.1-17 - ISSN: 1742-4682, DOI:10.1186/1742-4682-11-S1-S5 Indici: IF:1,460, SJR:0,581
Using Boolean Networks to Model Post-transcriptional Regulation in Gene Regulatory Networks	<b>Politano G.</b> , Benso A., Di Carlo S., Savino A., Ur Rehman H., Vasciaveo A	Elsevier	Journal of Computational Science, vol. 5 n. 3, 2014, pp.332-344 - ISSN: 1877-7503, DOI:10.1016/j.jocs.2013.10.005 - Indici: IF:1,748, SJR:0,481
A Combined Approach for Genome Wide Protein Function Annotation/ Prediction	Benso A., Di Carlo S., Ur Rehman H., Politano G., Savino A., Suravajhala P.	Springer	Proteome Science, 2013, vol. 11 n. S1, pp.1-12 - ISSN: 1477-5956, DOI:10.1186/1477-5956-11-S1-S1 Indici: IF: 2,360, SJR:0,723
A systematic analysis of a mi-RNA inter-pathway regulatory motif	Di Carlo S., Politano G., Savino A., Benso A.	Springer	Journal of Clinical Bioinformatics, vol. 3 n. 20, 2013, pp.1-14 - ISSN: 2043-9113, DOI:10.1186/2043-9113-3-20 - Indici: IF: N/A, SJR:0,907
Reducing the Complexity of Complex Gene Coexpression Networks by Coupling Multiweighted Labeling with Topological Analysis	Benso A., Cornale P., Di Carlo S., Politano G., Savino A.,	Hindawi	Biomed Research International, Vol. 2013 (2013), Article ID 676328, pp.1-9 - ISSN: 2314-6133, DOI:10.1155/2013/676328 - Indici: IF: 2,476, SJR:0,843
Statistical Reliability Estimation Of Microprocessor-Based Systems	Savino A., Di Carlo S., Politano G., Benso A., Di Natale G., Bosio A.,	IEEE Computer Society	IEEE Transactions On Computers, vol. 61 n. 11, 2012, pp.1521-1534 - ISSN: 0018-9340, DOI:10.1109/TC.2011.188 - Indici: IF:1,473, SJR:0,776
Building Gene Expression Profile Classifiers with a Simple and Efficient Rejection Option in R	Benso A., Di Carlo S., Politano G., Savino A., Hafeezurrehman H.,	BioMed Central/ Springer	BMC Bioinformatics, BioMed Central, vol. 12 n. 13, 2011, pp.1-15 - ISSN: 1471-2105, DOI:10.1186/1471-2105-12-S13-S3 Indici: IF:2,448, SJR:1,467
A cDNA Microarray Gene Expression Data Classifier for Clinical Diagnostics based on Graph Theory	A. Benso, S. Di Carlo, G. Politano	IEEE Computer Society	IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics (TCBB), vol. 8 n. 3, 2010, pp.577-591 - ISSN: 1545-5963, DOI:10.1109/TCBB.2010.90 - Indici: IF:1,955, SJR:0,648



GPU cards as a low cost solution for efficient and fast classification of high dimensional gene expression datasets	Benso A., Di Carlo S, Politano G., Savino A., Scionti A.,	SRAIT	Control Engineering And Applied Informatics, vol. 12 n. 3, 2010, pp. - ISSN: 1454-8658, DOI: n/a Indici: IF:0,695, SJR:0,315
CONFERENCE PROCEEDINGS			
Modeling biological complexity using Biology System Description Language (BiSDL)	F Muggianu, A Benso, R Bardini, E Hu, G Politano, S Di Carlo	IEEE	IEEE International Conference on Bioinformatics and Biomedicine (BIBM), 2018, pp. 713-717
Using multi-level Petri nets models to simulate microbiota resistance to antibiotics.	Bardini, R.; Politano, G.; Benso, A.; Di Carlo, S.	IEEE	IEEE International Conference on Bioinformatics and Biomedicine (BIBM) Kansas City, 2017, pp. 128-133
A computationally inferred regulatory heart aging model including post-transcriptional regulations.	Politano, G.; Logrand, F.; Brancaccio, M.; Di Carlo, S.	IEEE	IEEE International Conference on Bioinformatics and Biomedicine (BIBM), Shenzhen, China, 2016. pp. 190-197
Implementing a cloud-based service supporting biological network simulations.	Bertone, F; Caragnano, G; Mossucca, L; Terzo, O; Benso, A; Politano, G; Savino, A	IEEE	30th IEEE International Conference on Advanced Information Networking and Applications, AINA 2016, Crans-Montana (Switzerland), 2016. pp. 732-736
FishAPP: A mobile App to detect fish falsification through image processing and machine learning techniques.	Rossi, F; Benso, A; Di Carlo, S; Politano, G; Savino, A; Acutis, PL	IEEE	20th IEEE International Conference on Automation, Quality and Testing, Robotics, AQTR 2016, Cluj-Napoca, RO, 19-21 May 2016. pp. 1-6
Computer Assisted Molecular Traceability for Dairy Farming Product	Rossi, F., Modesto, P., DiCarlo, S., Politano, G., Savino, A., Acutis, P.L., Benso, A.	Editorial Godel S.L.;	4th International Conference, IWBBIO 2016, Granada, Spain, April 20-22, 2016, Proceedings - Bioinformatics and Biomedical Engineering (2016). p. 371-378. ISBN 978-84-16478-75-0.



<p>Cross-layer system reliability assessment framework for hardware faults.</p>	<p>Vallero, A.; Savino, A.; Politano, G.; Di Carlo, S.; Chatzidimitriou, A.; Tselonis, S.; Kaliorakis, M.; Gizopoulos, D.; Riera, M.; Canal, R.; Gonzalez, A.; Kooli, M.; Bosio, A.; Di Natale, G.</p>	<p>IEEE</p>	<p>47th IEEE International Test Conference (ITC), Forth Worth, TX, USA, 2016. pp. 1-10</p>
<p>RIIF-2: Toward the next generation reliability information interchange format</p>	<p>Savino, A.; Di Carlo, S.; Vallero, A.; Politano, G.; Gizopoulos, D.; Evans, A.</p>	<p>IEEE</p>	<p>22nd IEEE International Symposium on On-Line Testing and Robust System Design, IOLTS 2016, Sant Feliu de Guixols, Spain, 4-6 July 2016. pp. 173-178</p>
<p>Using Nets-Within-Nets for Modeling Differentiating Cells in the Epigenetic Landscape</p>	<p>Roberta Bardini, Alfredo Benso, Stefano Di Carlo, Gianfranco Politano, Alessandro Savino</p>	<p>Springer International Publishing</p>	<p>4th International Conference, IWBBIO 2016, Granada, Spain, April 20-22, 2016, Proceedings - Bioinformatics and Biomedical Engineering (2016), Volume 9656 of the series Lecture Notes in Computer Science pp. 315-321, ISSN: 0302-9743</p>
<p>Gene Expression vs. Network Attractors</p>	<p><b>Politano G.</b>, Savino A., Vasciaveo A.</p>	<p>Springer International Publishing</p>	<p>Third International Conference on Bioinformatics and Biomedical Engineering (IWBBIO), Granada, ES, 15-17 Apr. 2015. ISBN: 9783319164823, DOI: 10.1007/978-3-319-16483-0_60.</p>
<p>Early Component-Based System Reliability Analysis for Approximate Computing Systems.</p>	<p>Vallero, A.; Savino, A.; Politano, G.; Di Carlo, S.; Chatzidimitriou, A.; Tselonis, S.; Kaliorakis, M.; Gizopoulos, D.; Riera, M.; Canal, R.; Gonzalez, A.; Kooli, M.; Bosio, A.; Di Natale, G.</p>	<p>n/a</p>	<p>2nd Workshop On Approximate Computing (WAPCO), Prague, CZ, 20 Jan. 2016. pp. 1-4</p>
<p>A Cloud-Based Approach for Gene Regulatory Networks Dynamics Simulations</p>	<p>Vasciaveo, A. and Benso, A. and Di Carlo, S. and Politano, G. and Savino, A. and Bertone, F. and Caragnano, G. and Terzo, O.</p>	<p>IEEE</p>	<p>4th Mediterranean Conference on Embedded Computing (MECO), 2015, Budva, Montenegro</p>



A 3D Voxel Neighborhood Classification Approach within a Multiparametric MRI Classifier for Prostate Cancer Detection	Rossi F., Savino A., Giannini V., Vignati A., Mazzetti S., Benso A., Di Carlo S., Politano G., Regge D.	Springer International Publishing	Third International Conference on Bioinformatics and Biomedical Engineering (IWBBIO), Granada, ES, 15-17 Apr. 2015. ISBN: 9783319164823, DOI: 10.1007/978-3-319-16483-0_24.
A Bayesian model for system level reliability estimation	A Vallero, A Savino, S Tselonis, N Foutris, M Kaliorakis, G Politano, D Gizopoulos, S Di Carlo	IEEE	Test Symposium (ETS), 2015 20th IEEE European, 25-29 May 2015, Cluj-Napoca, Romania. DOI: 10.1109/ETS.2015.7138745
Bayesian Network Early Reliability Evaluation Analysis for both Permanent and Transient Faults	A.Vallero, A.Savino, S.Tselonis, N.Foutris, M.Kaliorakis, G.Politano, D.Gizopoulos, S.Di Carlo	IEEE	IEEE 21st International On-Line Testing Symposium (IOLTS), July 2015
A Computational Study to Identify TP53 and SREBF2 as Regulation Mediators of miR-214 in Melanoma Progression.	<b>Politano G.</b> , Benso A., Di Carlo S., Orso F., Savino A., Taverna D.,	Scitepress	BIOINFORMATICS 2014 - International Conference on Bioinformatics Models, Methods and Algorithms, Angers, France, 3-6 March, 2014, pp.49-56 - ISBN: 9789897580123, DOI: 10.5220/0004799500490056 <b>[BEST PAPER AWARD]</b>
A Prostate Cancer Computer Aided Diagnosis Software including Malignancy Tumor Probabilistic Classification	Savino A., Benso A., Di Carlo S., Giannini V., Vignati A., Mazzetti S., Politano G., Regge D.,	Scitepress	BIOIMAGING 2014 - International Conference on Bioimaging, Angers, France, 3-6 March, 2014, pp.49-54 - ISBN: 9789897580147, DOI: 10.5220/0004799100490054
A Computer Aided Diagnosis System To Detect Prostate Cancer With Endorectal Multiparametric MRI.	Savino A., Giannini V., Vignati A., Mazzetti S., Benso A., Bracco C., Di Carlo S., Politano G., Stasi M., Russo F., Regge D.	RSNA	99th Scientific Assembly and Annual Meeting of the Radiological Society of North America, Chicago (IL), USA, 1-6 Dec, 2013., Chicago (IL), USA, 2013 RIVEDERE
A New miRNA Motif Protects Pathways' Expression in Gene Regulatory Networks	Benso A., Di Carlo S., Politano G., Savino A.,	Copicentro Editorial	International Work-Conference on Bioinformatics and Biomedical Engineering (IWBBIO), Granada, Spagna, 18-20 March, 2013, pp.377-384 - ISBN: 9788415814139, DOI: n/a



Accounting for Post-Transcriptional Regulation in Boolean Networks Based Regulatory Models	Benso A., Di Carlo S., Rehman H.U., Politano G., Savino A., Squillero G., Vasciaveo A., Benedettini S.,	Copicentro Editorial	International Work-Conference on Bioinformatics and Biomedical Engineering, Granada, Spagna, 18-20 March, 2013, pp.397-404 - ISBN: 9788415814139, DOI: n/a
An agent-based simulation framework for complex systems	A. Benso, S. Di Carlo, G. Politano, A. Savino, H. Rehman,	n/a	International Conference on Bioinformatics and Computational Biology, Varna, Bulgaria, 20-21 September, 2012, pp.28 - ISBN: n/a, DOI: n/a -
Combining Homolog and Motif Similarity Data with Gene Ontology Relationships for Protein Function Prediction	Hafeez ur Rehman, Alfredo Benso, Stefano Di Carlo, Gianfranco Politano, Alessandro Savino, and Prashanth Suravajhala,	IEEE	IEEE International Conference on Bioinformatics and Biomedicine 2012, Philadelphia, USA, 4-7 October, 2012, pp.441-444 - ISBN: 9781467325592, DOI: 10.1109/BIBM.2012.6392719 -
Using Boolean Networks to Model Post-transcriptional Regulation in Gene Regulatory Networks,	A. Benso, S. Di Carlo, G. Politano, A. Savino, H. Rehman,	n/a	International Conference on Bioinformatics and Computational Biology, Varna, Bulgaria, 20-21 September, 2012, pp.27 - ISBN: n/a, DOI: n/a -
Using genome wide data for protein function prediction by exploiting gene ontology relationships	Alfredo Benso, Stefano Di Carlo, Gianfranco Politano, Alessandro Savino, And Hafeezurrehman Hafeez.	IEEE	IEEE International Conference on Automation, Quality and Testing, Robotics, Cluj Napoca, Romania, 24-27 May, 2012, pp.497-502 - ISBN: 9781467307017, DOI: 10.1109/AQTR.2012.6237762 - <b>[BEST PAPER AWARD]</b>
Genetic Defect Based March Test Generation for SRAM	Di Carlo S., Politano G., Prinetto P., Savino A., Scionti A.	Springer	Lecture Notes In Computer Science EvoApplications 2011, pp.141-150 - ISSN: 0302-9743, DOI:10.1007/978-3-642-20520-0_15 -
GPU Acceleration for Statistical Gene Classification	Benso A., Di Carlo S., Politano G., and Savino A.,	IEEE	Automation Quality and Testing Robotics, Cluj Napoca, Romania, 28-30 May, 2010, pp.1-6 - ISBN: 9781424467242, DOI: 10.1109/AQTR.2010.5520794 - <b>[BEST PAPER AWARD]</b>



Gene Expression Classifiers and Out-Of-Class Samples Detection	A. Benso, S. Di Carlo, G. Politano,	IEEE	IEEE 9th International Conference on Information Technology and Applications in Biomedicine, Larnaca, Cyprus, 4-7 November, 2009, pp.1-5 - ISBN: 9781424453795, DOI: 10.1109/ITAB.2009.5394401 -
Gene expression reliability estimation through cluster-based analysis	L. Sterpone, A. Benso, S. Di Carlo, G. Politano,	IEEE	IEEE International Workshop on Medical Measurements and Applications, Cetraro, Italy, 29-30 May, 2009, pp.229-231 - ISBN: 9781424435982, DOI: 10.1109/MEMEA.2009.5167990 -
A Graph-Based Representation of Gene Expression Profiles in DNA Microarray	A. Benso, S. Di Carlo, G. Politano, L. Sterpone,	IEEE	IEEE Computational Intelligence Society - Bioinformatics and Bioengineering, Sun Valley, ID, USA, 15-17 September, 2008, pp.75-82 - ISBN: n/a, DOI: 10.1109/CIBCB.2008.4675762 -
Differential Gene Expression Graphs: a data structure for classification in DNA Microarrays,	A. Benso, S. Di Carlo, G. Politano, L. Sterpone,	IEEE	8th IEEE International Conference on BioInformatics and BioEngineering, Athens, Greece, 8-10 October, 2008, pp.1-6 - ISBN: 9781424428441, DOI: 10.1109/BIBE.2008.4696689 -
<b>BOOKS CHAPTERS</b>			
Computational Tools for Applying Multi-level Models to Synthetic Biology	R Bardini, G Politano, A Benso, S Di Carlo	Springer	Synthetic Biology - Omics Tools and Their Applications, Singh S. (eds) Synthetic Biology. Springer, Singapore (2018), pp. 95-112, DOI:10.1007/978-981-10-8693-9_7, ISBN: 978-981-10-8692-2
A computational pipeline to identify new potential regulatory motifs in melanoma progression.	<b>Politano, Gianfranco;</b> Benso, Alfredo; Di Carlo, Stefano; Orso, Francesca; Savino, Alessandro; Taverna, Daniela	Springer	Biomedical Engineering Systems and Technologies / Plantier G., Schults T., Fred A., Gamboa H. Springer International Publishing, Switzerland,(2015) pp. 181-194. ISBN 978-3-319-26128-7
<b>BOOKS</b>			
INFORMATICA: ESERCIZI GUIDATI DI TEORIA E PROGRAMMAZIONE C	Gianfranco Politano, Alessandro Savino, Federico Tomassetti	CLUT Editrice	CLUT Editrice, Torino, 2013, pp.n/a - ISBN: 9788879923347, DOI: n/a